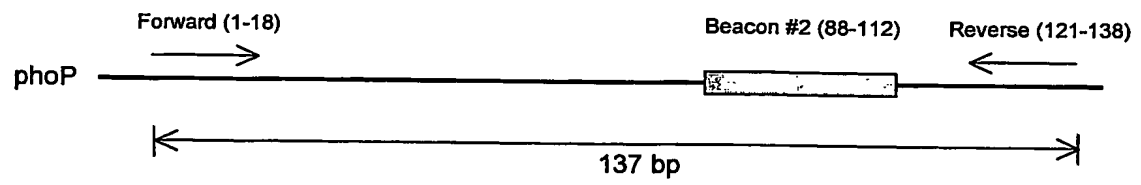


1 B.halodu : GTGACGTTATTGCAATTTAATCTTGAACAGTCAGGCTACGAGGTCGTGACAGCAATGGATGGAGC-TTCTGGGCTACAAC : 80  
 2 B.subtil : GTTACTCTTTTACAGTACAATTTGGAACGGTCAGGCTATGATGTCAATTACCGCCTCGGATGGGGA-AGAAGCACTCAAAAA : 80  
 3 C.acetob : TCAAAATTTGATAAAGTTAAATTTAAATATGCGGGATATATAAGTGAAGCTGTGTATATGTTGA-AGCTGCACTGGACTT : 80  
 4 E.coli : CGTCAACCACTTAAAGTTTCAAGTTCAGATTGAGGATGCTGGTCAATCAGGTCGATGACGCAGAAGATGCCAA-AGAAGCCGATTATTA : 80  
 5 E.coli : CGTCAACCACTTAAAGTTTCAAGTTCAGATTGAGGATGCTGGTCAATCAGGTCGATGACGCAGAAGATGCCAA-AGAAGCCGATTATTA : 80  
 6 E.coli : CGTCAACCACTTAAAGTTTCAAGTTCAGATTGAGGATGCTGGTCAATCAGGTCGATGACGCAGAAGATGCCAA-AGAAGCCGATTATTA : 80  
 7 E.coli : CGTCAACCACTTAAAGTTTCAAGTTCAGATTGAGGATGCTGGTCAATCAGGTCGATGACGCAGAAGATGCCAA-AGAAGCCGATTATTA : 80  
 8 L.innoc : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 9 L.innoc : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 10 L.mono : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 11 L.mono : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 12 M.lepr : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 13 M.tube : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 14 P.aerug : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 15 S.typhi : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 16 S.typhi : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 17 S.enter : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 18 S.enter : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 19 S.typh : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 20 S.typh : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 21 S.typhi : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 22 S.aureu : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 23 S.aureu : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 24 S.pneu : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 25 Y.pseu : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 26 Y.pesti : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 27 Y.pesti : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 28 Y.pseu : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGTAGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80

1 B.halodu : AGCTAAGACGCAACCGTTCGATCTTATTTATTTAGACCTCATGTTACCTGAAATGGATGGACTCGATGTATGTAACAAAC : 160  
 2 B.subtil : AGCGGAAACAGAGAAACCTGATTTGATTTGCTTGTGATGTGCTTCCAAAATTTGGACGGAATCGAAGTATGCAAGCAGC : 160  
 3 C.acetob : AATTGAAGGTAGAAATTTTATTTAATCTTTTACACATAATGCTTCCGCTAATAATAGATGGTTTGTAGTCTATTTCAAAAAA : 160  
 4 E.coli : TCTCAATGAACATATACCGGATATTGCGATTGTCGATCTCGGATTGCCAGACGAGGACGGTCTGTCACTGATTCCGCGCT : 160  
 5 E.coli : TCTCAATGAACATATACCGGATATTGCGATTGTCGATCTCGGATTGCCAGACGAGGACGGTCTGTCACTGATTCCGCGCT : 160  
 6 E.coli : TCTCAATGAACATATACCGGATATTGCGATTGTCGATCTCGGATTGCCAGACGAGGACGGTCTGTCACTGATTCCGCGCT : 160  
 7 E.coli : TCTCAATGAACATATACCGGATATTGCGATTGTCGATCTCGGATTGCCAGACGAGGACGGTCTGTCACTGATTCCGCGCT : 160  
 8 L.innoc : TGCTCTATCGGAAAAACAGATTTAATTTGCTTGTGATTTAATGCTTCTGAAATGGACGGAATGAAGTAACGAAAAAAC : 160  
 9 L.innoc : TGCTCTATCGGAAAAACAGATTTAATTTGCTTGTGATTTAATGCTTCTGAAATGGACGGAATGAAGTAACGAAAAAAC : 160  
 10 L.mono : CGCTTTGTCCGAAAAACAGATTTAATTTGCTTGTGATTTAATGCTTCTGAGATGGACGGAATCGAAGTAACAAAAAAC : 160  
 11 L.mono : CGCTTTGTCCGAAAAACAGATTTAATTTGCTTGTGATTTAATGCTTCTGAGATGGACGGAATCGAAGTAACAAAAAAC : 160  
 12 M.lepr : GGCTTCGTAGTGTCTCGGCGGACGCGGTCGATCTTGGACGTCGATGATGCCGCGGATGGACGGCTTTGGGGTGTGCGCGCG : 160  
 13 M.tube : GGCTTCGTAGTGTCTCGGCGGACGCGGTCGATCTTGGACGTCGATGATGCCGCGGATGGACGGCTTTGGGGTGTGCGCGCG : 160  
 14 P.aerug : GGCTTCGTAGTGTCTCGGCGGACGCGGTCGATCTTGGACGTCGATGATGCCGCGGATGGACGGCTTTGGGGTGTGCGCGCG : 160  
 15 S.typhi : CCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGCTGATTTAGCTTGTGCTGATGAAGACGGCTTTCCCTTAATACGCGCT : 160  
 16 S.typhi : CCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGCTGATTTAGCTTGTGCTGATGAAGACGGCTTTCCCTTAATACGCGCT : 160  
 17 S.enter : CCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGCTGATTTAGCTTGTGCTGATGAAGACGGCTTTCCCTTAATACGCGCT : 160  
 18 S.enter : CCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGCTGATTTAGCTTGTGCTGATGAAGACGGCTTTCCCTTAATACGCGCT : 160  
 19 S.typh : CCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGCTGATTTAGCTTGTGCTGATGAAGACGGCTTTCCCTTAATACGCGCT : 160  
 20 S.typh : CCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGCTGATTTAGCTTGTGCTGATGAAGACGGCTTTCCCTTAATACGCGCT : 160  
 21 S.typhi : CCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGCTGATTTAGCTTGTGCTGATGAAGACGGCTTTCCCTTAATACGCGCT : 160  
 22 S.aureu : GGTAGAAAGTGAACAGCCAGATTTAATTTATTTAGATGTTATGCTACCTAAAAAAGATGGCATTGACGTATGTAAGACTG : 160  
 23 S.aureu : GGTAGAAAGTGAACAGCCAGATTTAATTTATTTAGATGTTATGCTACCTAAAAAAGATGGCATTGACGTATGTAAGACTG : 160  
 24 S.pneu : GGCAGAAACAGAACCTTTGATTTTATTTAGATGTTATGCTACCTAAAAAAGATGGCATTGACGTATGTAAGACTG : 160  
 25 Y.pseu : CTTACAAGAGCATGCCCGGACATTTGCTATTATCGATCTTGGTTTGGCCGGTGAAGACGGGTTAAGCCTTATCCGTCGCT : 160  
 26 Y.pesti : CTTACAAGAGCATGCCCGGACATTTGCTATTATCGATCTTGGTTTGGCCGGTGAAGACGGGTTAAGCCTTATCCGTCGCT : 160  
 27 Y.pesti : CTTACAAGAGCATGCCCGGACATTTGCTATTATCGATCTTGGTTTGGCCGGTGAAGACGGGTTAAGCCTTATCCGTCGCT : 160  
 28 Y.pseu : CTTACAAGAGCATGCCCGGACATTTGCTATTATCGATCTTGGTTTGGCCGGTGAAGACGGGTTAAGCCTTATCCGTCGCT : 160

a c t a t a a g g a g t g g c g a t g g c a

FIGURE 1

**FIGURE 2**

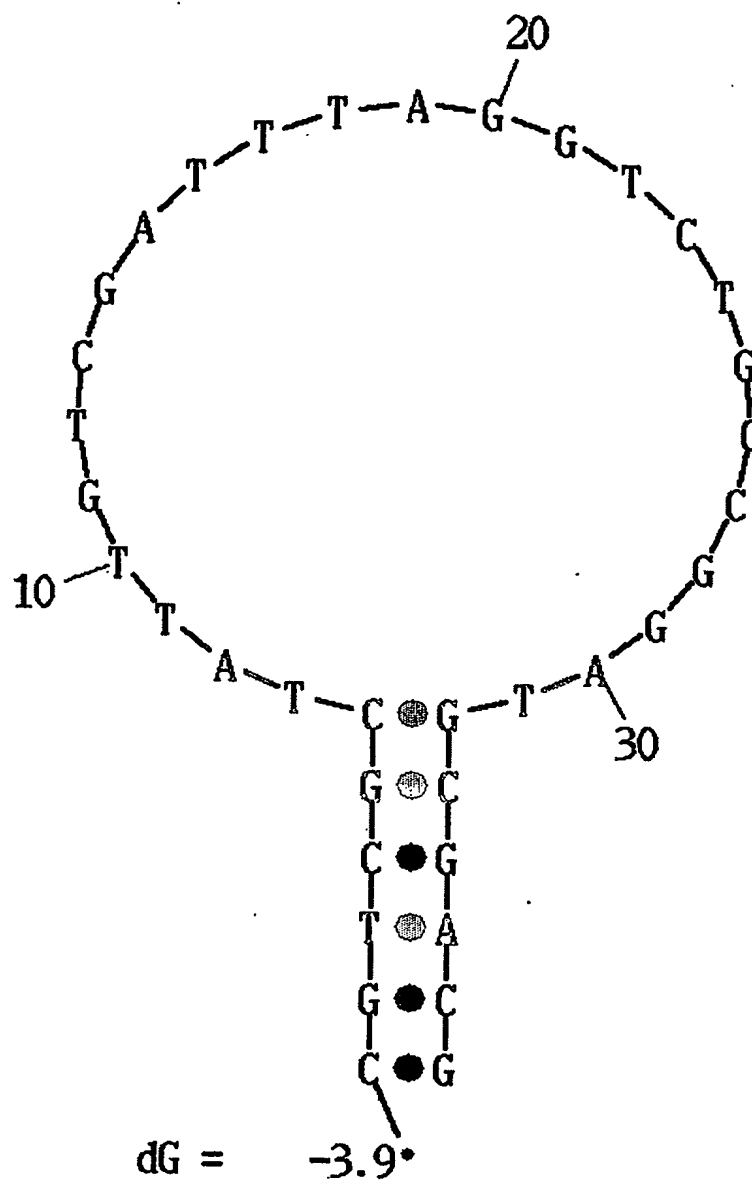


FIGURE 3

**A.**

GTGACTCTGGTCGACGAACTTAAATAATGCCTGCCTCACCTCTTTTCTTC  
AGAAAGAGGGTGACTATTTGTCTGGTTTATTAAGTGTATCCCCAAAGCA  
CCATAATCAACGCTAGACTGTTCTTATTGTAAACACAAGGGAGAAGAGAT  
GATGCGCGTACTGGTTGTAGAGGATAATGCATTATTACGCCACCACCTGA  
AGGTTTCAGCTCCAGGATTCAGGTCACCAGGTCGATGCCGCAGAAGATGCC  
AGGGAAGCTGATTACTACCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGTC  
GATTTAGGTCTGCCGGATGAAGACGGCCTTTCCTTAATACGCCGCTGGCGC  
AGCAGTGATGTTTCACTGCCGGTTCTGGTGTTAACCGCGCGCGAAGGCTG  
GCAGGATAAAGTCGAGGTTCTCAGCTCCGGGGCCGATGACTACGTGACGA  
AGCCATTCCACATCGAAGAGGTAATGGCGCGTATGCAGGCGTTAATGCGC  
CGTAATAGCGGTCTGGCCTCCCAGGTGATCAACATCCCGCCGTTCCAGGT  
GGATCTCTCACGCCGGAATTATCCGTCAATGAAGAGGTCATCAAACCTCA  
CGGCGTTTGAATACACCATTATGGAAACGCTTATCCGTAACAACGGTAAA  
GTGGTCAGCAAAGATTGCTGATGCTTCAGCTGTATCCGGATGCGGAACT  
GCGGGAAAGTCATACCATTGATGTTCTCATGGGGCGTCTGCGGAAAAAAA  
TACAGGCCAGTATCCGCACGATGTCATTACCACCGTACGCGGACAAGGA  
TATCTTTTTGAATTGCGCTAATGAATAAATTTGCTCGCCATTTTCTGCGTGT  
CGCTGCGGGTTCGTTTTTTGCTGGCGACAGCCGGCGTCGTGCTGGTGCTTT  
CTTTGGCATATGGCATAAGTGGCGCTGGTTCGGCTATAGCGTAAGTTTTGATA  
AAACCACCTTTCGTTTGCTGCGCGGCGAAAGC

**B.**

CTCCAGGATTCAGGTCACCAGGTCGATGCCGCAGAAGATGCCAGGGAAGC  
TGATTACTACCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGTCGATTTAGG  
TCTGCCGGATGAAGACGGCCTTTCCTTAATACGCCG

**FIGURE 4**